

**57º Congresso Nacional de Botânica  
13º Encontro Estadual de Botânicos**

**06 a 10 de novembro de 2006  
Gramado, RS, Brasil**

**Estudo filogeográfico de *Dalbergia nigra* (Leguminosae), uma árvore tropical ameaçada de extinção**

Ribeiro, Renata Acácio (1,3); Ramos, Ana Carolina Simões (1,3); Brandão, Rosângela Luci (1,3); Lemos Filho, José Pires (2,4); Lovato, Maria Bernadete (2,3). - 1 Aluna Pós-graduação em Genética; 2 Docente; 3 Departamento de Biologia Geral, ICB, UFMG, MG, Brasil; 4 Departamento de Botânica, ICB, UFMG, MG, Brasil.

Jacarandá-da-Bahia (*Dalbergia nigra* – Leguminosae) é uma arbórea característica e exclusiva da Mata Atlântica, de ocorrência desde o sul da Bahia até o litoral norte de São Paulo. O intenso extrativismo da sua valiosa madeira, associado à alta fragmentação de seu bioma e à ausência de plantios de reposição, resultou na inclusão desta espécie na lista oficial de espécies da flora brasileira ameaçadas de extinção, categoria vulnerável, o que significa que esta espécie apresenta alto risco de extinção na natureza em médio prazo. Esse trabalho tem como objetivo o estudo filogeográfico de *D. nigra*. Foram seqüenciadas duas regiões não-codificantes do cpDNA usando pares de primers universais previamente selecionados: *trnL intron* e o espaçador intergênico *trnV-trnM*. Foram amostrados 168 indivíduos de *D. nigra* distribuídos em 17 populações localizadas nos estados da Bahia, Minas Gerais e Espírito Santo. Após seqüenciamento, a seqüência-consenso para cada indivíduo foi obtida através dos programas Phred, Phrap e Consed. O alinhamento intraespecífico foi realizado através do Clustal X (software MEGA 3.1) com verificação manual devido à presença de inserções/deleções (*indels*). O seqüenciamento destas duas regiões do cpDNA totalizou 1220 bp com oito sítios polimórficos. Numa análise preliminar observamos que o espaçador intergênico *trnV-trnM* apresenta uma mutação que separa as populações de *D. nigra* de Minas Gerais e Espírito Santo daquelas da Bahia e do extremo nordeste de Minas Gerais. A população localizada em Padre Paraíso/MG representa a interseção dessa variação, exibindo ambas mutações. Os resultados deste trabalho permitirão analisar como a estrutura genética desta arbórea ameaçada de extinção está organizada geograficamente, gerando subsídios para as tomadas de decisões nos programas de conservação, como a definição de áreas prioritárias. (CNPq e Fapemig)

Link p/ este Trabalho na internet: <http://www.57cnbot.com.br/trabalhos.asp?COD=1771>